

Medical Bioinformatics

ベーシック
Basic



「まる」飯塚哲也（宮城県・多夢多夢舎中山工房）

Curated by HERALBONY

次世代シーケンス解析に必要な基礎的な内容を体験学習できます。昨年のワークショップと同じ内容で、データ解析の**初級者向け**です。バイオインフォマティクスに興味があるかた、実際のデータ解析の方法を知りたい方など、参加をお待ちしております。

日時：2026年12月20日（土）

講師：右田王介（聖マリアンナ医科大学 臨床検査医学）

谷口公介（群馬大学大学院医学系研究科 遺伝医科学）

会場：パシフィコ横浜

参加者：第70回日本人類学会参加者・無料・事前申込必須

最大25名程度。応募多数の場合抽選で参加者を決定

申し込み方法：JSHG大会サイトからの申し込み

時間	タイムスケジュールと内容
10:00－ 12:00	サーバーへのログイン、コマンドの演習 （ターミナルソフトのインストールをお願いします。 ファイルの扱い方、解析で用いるコマンドを学習します。）
13:30－ 15:30	次世代シーケンスデータを用いた原因変異解析実習 （NGSからのデータファイル(Fastqファイル)をもとに、解析を行います。バリエーションを抽出し、疾患原因変異を探索する作業をご自身で解析していただきます。）

- ・原則として参加者は午前・午後一連での参加となります。
- ・ソフトウェアの追加とWi-Fiに接続可能なノートPC（Windows, Macどちらでも可）を持参ください。